



ФЕДЕРАЛЬНАЯ СЛУЖБА
ПО ИНТЕЛЛЕКТУАЛЬНОЙ СОБСТВЕННОСТИ

(12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К ПАТЕНТУ

(52) СПК

C12N 15/113 (2024.01); C12N 15/63 (2024.01); C12N 15/864 (2024.01); A61K 48/00 (2024.01)

(21)(22) Заявка: 2022133746, 22.12.2022

(24) Дата начала отсчета срока действия патента:
22.12.2022Дата регистрации:
25.06.2024

Приоритет(ы):

(22) Дата подачи заявки: 22.12.2022

(45) Опубликовано: 25.06.2024 Бюл. № 18

Адрес для переписки:

308015, г. Белгород, ул. Победы, 85, ФГАОУ
ВО (НИУ "БелГУ"), Токтарева Татьяна
Михайловна

(72) Автор(ы):

Корокин Михаил Викторович (RU),
Покровский Михаил Владимирович (RU),
Дейкин Алексей Васильевич (RU),
Солдатов Владислав Олегович (RU),
Корокина Лилия Викторовна (RU),
Пересыпкина Анна Александровна (RU),
Гудырев Олег Сергеевич (RU),
Деев Роман Вадимович (RU),
Кузубова Елена Валерьевна (RU),
Яковлев Иван Антонович (RU),
Исаев Артур Александрович (RU),
Покровский Владимир Михайлович (RU),
Жунусов Никита Сергеевич (RU),
Краюшкина Анастасия Михайловна (RU),
Радченко Александра Игоревна (RU),
Екимова Наталья Викторовна (RU)

(73) Патентообладатель(и):

Федеральное государственное автономное
образовательное учреждение высшего
образования "Белгородский государственный
национальный исследовательский
университет" (НИУ "БелГУ") (RU)

(56) Список документов, цитированных в отчете
о поиске: Kasun Kodippili, Chady H Hakim et
al., Dual AAV Gene Therapy for Duchenne
Muscular Dystrophy with a 7-kb Mini-Dystrophin
Gene in the Canine Model, Hum Gene Ther. 2018
Mar;29(3):299-311. WO 2019209777 A1, 31.10.2019.
RU 2015141336 A, 22.05.2017. Lostal, W., et al.,
Efficient recovery of dysferlin deficiency by dual
adeno-associated vector-mediated (см. прод.)

(54) Способ коррекции миодистрофии с использованием аденоассоциированного вирусного вектора в эксперименте

(57) Реферат:

Изобретение относится к медицине, в частности к экспериментальной фармакологии и генетическим технологиям. Описанный способ включает использование самцов дисферлин-

дефицитных мышей B6.A/J-Dysfprmd и однократное введение двухвекторного препарата на основе аденоассоциированного вируса в хвостовую вену с оценкой мышечной функции

через 30 дней после инъекции препарата. Коррекцию миодистрофии проводят на основе аденоассоциированного вируса 9 серотипа, несущего кодон-оптимизированную кДНК гена дисферлина под управлением мышцеспецифичного промотора в комбинации с

химерным интроном для усиления экспрессии дисферлина в объеме 100 мкл, подтверждаемый результатами теста «Сила хватки». Изобретение может быть использовано для лечения миодистрофии. 5 табл., 1 пр.

(56) (продолжение):
gene transfer. *Hum Mol Genet*, 2010. 19(10): p.1897-907.

RU 2821544 C1

RU 2821544 C1



FEDERAL SERVICE
FOR INTELLECTUAL PROPERTY

(51) Int. Cl.
C12N 15/113 (2010.01)
C12N 15/63 (2006.01)
C12N 15/864 (2006.01)
A61K 48/00 (2006.01)

(12) **ABSTRACT OF INVENTION**

(52) CPC
C12N 15/113 (2024.01); C12N 15/63 (2024.01); C12N 15/864 (2024.01); A61K 48/00 (2024.01)

(21)(22) Application: **2022133746, 22.12.2022**

(24) Effective date for property rights:
22.12.2022

Registration date:
25.06.2024

Priority:

(22) Date of filing: **22.12.2022**

(45) Date of publication: **25.06.2024** Bull. № 18

Mail address:

308015, g. Belgorod, ul. Pobedy, 85, FGAOU VO (NIU "BelGU"), Toktareva Tatyana Mikhailovna

(72) Inventor(s):

**Korokin Mikhail Viktorovich (RU),
Pokrovskii Mikhail Vladimirovich (RU),
Deikin Aleksei Vasilevich (RU),
Soldatov Vladislav Olegovich (RU),
Korokina Liliia Viktorovna (RU),
Peresyapkina Anna Aleksandrovna (RU),
Gudyrev Oleg Sergeevich (RU),
Deev Roman Vadimovich (RU),
Kuzubova Elena Valerevna (RU),
Iakovlev Ivan Antonoich (RU),
Isaev Artur Aleksandrovich (RU),
Pokrovskii Vladimir Mikhailovich (RU),
Zhunusov Nikita Sergeevich (RU),
Kraiushkina Anastasiia Mikhailovna (RU),
Radchenko Aleksandra Igorevna (RU),
Ekimova Natalia Viktorovna (RU)**

(73) Proprietor(s):

federalnoe gosudarstvennoe avtonomnoe obrazovatelnoe uchrezhdenie vysshego obrazovaniia "Belgorodskii gosudarstvennyi natsionalnyi issledovatel'skii universitet" (NIU "BelGU") (RU)

(54) **METHOD OF MYODYSTROPHY CORRECTION USING ADENO-ASSOCIATED VIRAL VECTOR IN EXPERIMENT**

(57) Abstract:

FIELD: medicine.

SUBSTANCE: invention refers to medicine, particularly to experimental pharmacology and genetic technologies. Described method involves using male dysferlin-deficient mice B6.A/J-Dysfprmd and single introduction of two-vector preparation based on adeno-associated virus in tail vein with assessment of muscle function 30 days after injection of preparation. Correction of myodystrophy is carried out on the basis

of adeno-associated virus of serotype 9 carrying a codon-optimized cDNA of the dysferlin gene under control of a muscle-specific promoter in a combination with a chimeric intron for enhancing the expression of dysferlin in volume of 100 mcl, confirmed by the results of the Grip strength test.

EFFECT: invention can be used for treating muscular dystrophy.

1 cl, 5 tbl, 1 ex

RU 2 821 544 C1

RU 2 821 544 C1

Изобретение относится к медицине, в частности к экспериментальной фармакологии и генетическим технологиям.

По известным литературным источникам - дисферлинопатия охватывает группу редких мышечных дистрофий, вызванных рецессивными мутациями в гене DYSF.

5 Фенотип варьирует от бессимптомного повышения уровня креатинкиназы в сыворотке до избирательного и прогрессирующего поражения проксимальных и/или дистальных мышц конечностей [Contreras-Cubas, C., Barajas-Olmos, F., Frayre-Martínez, M. I., Siordia-Reyes, G., Guízar-Sánchez, C. C., García-Ortiz, H., Orozco, L., & Baca, V. (2022). Dysferlinopathy misdiagnosed with juvenile polymyositis in the pre-symptomatic stage of hyperCKemia: a case
10 report and literature review. BMC medical genomics, 15(1), 139]. Возможность восстановления дефектного белка мышц путем введения в клетку функционального гена дикого типа является перспективным методом генной терапии мышечных дистрофий [Старостина И.Г. Создание рекомбинантного аденовируса, кодирующего кодон-оптимизированный ген дисферлина, и анализ экспрессии рекомбинантного белка в культуре клеток in vitro
15 / И.Г. Старостина, В.В. Соловьева, К.Г. Шевченко, Р.В. Деев, А.А. Исаев, А.А. Ризванов // Клеточная трансплантология и тканевая инженерия. - 2012. - Т.7, №3. - С.25-28]. Было продемонстрировано, что генная терапия с использованием рекомбинантного аденоассоциированного вируса (AAV) безопасна и хорошо переносится [Naso, M. F., Tomkowicz, B., Perry, W. L., 3rd, & Strohl, W. R. (2017). Adeno-Associated Virus (AAV) as a
20 Vector for Gene Therapy. BioDrugs: clinical immunotherapeutics, biopharmaceuticals and gene therapy, 31(4), 317-334].

Использование генетических моделей нейродегенеративных заболеваний человека, получаемых путем модификации и/или редактирования генома лабораторных животных, и воспроизводящих ключевые звенья патогенеза заболевания является незаменимым
25 звеном исследований, направленных на выявление молекулярных мишеней для разработки комплексной терапии и идентификацию геномных локусов, редактирование которых приводит к реверсии патологического фенотипа [Gitler, A. D., Dhillon, P., & Shorter, J. (2017). Neurodegenerative disease: models, mechanisms, and a new hope. Dis Model Mech, 10(5), 499-502].

30 Известен способ терапии дисферлинопатий с применением кодон-оптимизированной кДНК, кодирующей дисферлин человека (патент на изобретение RU 2527073, публ. 27.08.2014), включающий введение фармацевтической композиции для восстановления нарушенной экспрессии и/или функции белка дисферлина в скелетной мышце, содержащая аденовирус, человеку (или животным) таким способом и в таком количестве,
35 которые обеспечат лечебный эффект в зависимости от нозологической формы и медицинских показаний. Фармацевтическая композиция может вводиться внутримышечно - местно, системно - внутривенно, аэрозольно, в виде генно-клеточной трансплантации или трансфузии после in vitro обработки различных аутологических клеток, например гемопоэтических и их более дифференцированных производных,
40 мезенхимальных, сосудисто-стромальной фракции, мезангиобластов, миобластов, миосателлитоцитов и др.

Основным недостатком способа является то, что аденовирус обладает более высокой иммуногенностью по сравнению с AAV. Преимущество использования рекомбинантного AAV в генной терапии можно объяснить отсутствием патогенности и дополнительной
45 безопасностью из-за дефектности его репликации и способности опосредовать более долгосрочную экспрессию в различных тканях, чем у рекомбинантного аденовируса [Lai, C.M., Lai, Y.K., & Rakoczy, P.E. (2002). Adenovirus and adeno-associated virus vectors. DNA and cell biology, 21(12), 895-913]. Помимо этого, в данном способе не приведены

режимы введения и дозы препарата при конкретных показаниях.

Наиболее близким по существу предлагаемого изобретения (прототипом) является способ терапии дисферлинопатий [Lostal, W., et al., Efficient recovery of dysferlin deficiency by dual adeno-associated vector-mediated gene transfer. Hum Mol Genet, 2010. 19(10): p.1897-907]. Авторы клонировали кДНК дисферлина в вектор на основе AAV. Так как кДНК дисферлина превышает размер трансгенной вставки, которую способен нести геном AAV, кДНК гена DYSF клонировали в виде 2 частей в два независимых AAV вектора: один рекомбинантный AAV несет 5' конец кДНК вместе с донорным сайтом сплайсинга интрона, другой рекомбинантный AAV несет акцепторный сайт сплайсинга и следующий за ним 3' концевую последовательность кДНК. В результате естественной способности AAV к конкатемеризации происходило объединение двух частей кДНК и экспрессия полноразмерного белка дисферлина. Системная инъекция в хвостовую вену самцов дисферлин-дефицитных мышей B6.A/J-Dysf^{prmd} этих двух векторов приводила к системной, хотя и слабой, экспрессии белка. Инъекции приводили к улучшению гистологической картины мышечной ткани, сокращению числа некротических волокон, восстановлению репарации мембраны и глобальному улучшению двигательных функций.

Недостатком данного способа является слабая экспрессия белка дисферлина при введении двух рекомбинантных AAV.

Задачей настоящего изобретения является создание эффективного способа коррекции миодистрофии с использованием генно-инженерной конструкции на основе AAV, экспрессирующей дисферлин человека.

Техническим результатом предлагаемого изобретения является эффективный способ коррекции миодистрофии с использованием аденоассоциированного вирусного вектора в эксперименте, лишенный недостатков прототипа, а именно, высокой иммуногенности аденовируса, с приведением доз и режима введения AAV9-ДИСФ-ДВ в эксперименте на дисферлин-дефицитных мышцах, и недостатка аналога, а именно, слабой экспрессии дисферлина при введении двух рекомбинантных AAV, за счет применения мышцеспецифичного промотора в комбинации с химерным интроном для усиления экспрессии дисферлина.

Поставленная задача достигается тем, что предложен способ коррекции миодистрофии с использованием аденоассоциированного вирусного вектора в эксперименте, включающий использование самцов дисферлин-дефицитных мышей B6.A/J-Dysf^{prmd} и однократное введение двувекторного препарата на основе аденоассоциированного вируса в хвостовую вену с оценкой мышечной функции через 30 дней после инъекции препарата, причем коррекцию миодистрофии проводят препаратом AAV9-ДИСФ-ДВ на основе аденоассоциированного вируса 9 серотипа, несущего кодон-оптимизированную кДНК гена дисферлина под управлением мышцеспецифичного промотора в комбинации с химерным интроном для усиления экспрессии дисферлина в объеме 100 мкл, подтверждаемый результатами теста «Сила хватки».

Основным преимуществом предлагаемого способа является то, что однократное внутривенное введение AAV9-ДИСФ-ДВ в объеме 100 мкл (титр вирусных частиц составляет 2,15E+13гк/мл для AAV9-Dysf5'-DV и 2,06E+13гк/мл для AAV9-Dysf3'-DV) приводит к выраженной коррекции миодистрофии у дисферлин-дефицитных мышей B6.A/J-Dysf^{prmd}, что подтверждается достоверным увеличением пикового значения силы тяги у мышей B6.A/J-Dysf^{prmd} с введением AAV9-ДИСФ-ДВ по сравнению с нелеченными животными (p<0,05) в тесте «Сила хватки», так как двойные AAV векторы

имеют перекрывающуюся область размером 1 т. п. н., которая служит субстратом для рекомбинации с целью создания полноразмерной кДНК дисферлина и более выраженной экспрессии полноразмерного белка дисферлина за счет наличия химерного интрона в 5'-кассете.

5 СПОСОБ ПОЛУЧЕНИЯ ААВ9-ДИСФ-ДВ

Пример 1

Этап 1. Был произведен дизайн и синтез олигонуклеотидов, кодирующих химерный интрон, представлено в таблице 1:

Таблица 1

10

Химерный интрон (CI)	gtaagtatcaaggttacaagacaggtttaaggagaccaatagaaactgggcttgtcgagacagag aagactcttgcgtttctgataggcacctattggtcttactgacatccactttgcctttctctccacag (SEQ ID NO: 1)
----------------------	---

15 Этап 2. 5' последовательность дисферлина была клонирована в вектор для сборки ААВ (рAAV-Dysf5'-DV), при этом вектор несет следующие регуляторные последовательности, представлено в таблице 2.

Таблица 2

20

Наименование характеристик	Целевое значение
Регуляторная последовательность (промотор МНСК7)	ctagaagctgcatgtctaagctagacccttcagattaaaaataactgaggttaagggcctgggt 25 aggggaggtggtgtgagacgctcctgtctctctctatctgccatcgccctttggggagg aggaatgtgccaaggactaaaaaaggccatggagccagaggggcgagggcaacaga cctttcatgggcaaaccttggggccctgctgtctagcatgccccactacgggtctaggctgcc catgtaaggaggcaaggcctggggacaccgagatgctggtataattaaccagacatgt 30 ggctgcccccccccaaacctgctgcctctaaaaataaccctgtccctggtgatccc ctgcatgcaagatcttcaacaaggctgtgggggactgagggcaggctgtaacaggcttg ggggccagggttatacgtgctgggactcccaaagtattactgttccatgttccggcgaag ggccagctgtccccgccagctagactcagcacttagtttaggaaccagtgagcaagtcag cccttggggcagccatacaaggccatggggctgggcaagctgcacgcctgggtccggg 35 gtgggcacgggtgcccgggcaacgagctgaaagctcatctgctctcaggggccctccctg gggacagcccctcctggctagtcacaccctgtaggctcctctatataaccaggggcacag gggctgccctcattctaccaccctccacagcagagct (SEQ ID NO: 2)
Химерный интрон (CI)	gtaagtatcaaggttacaagacaggtttaaggagaccaatagaaactgggcttgtcgagaca 40 gagaagactcttgcgtttctgataggcacctattggtcttactgacatccactttgcctttctctcc acag (SEQ ID NO: 3)
Левый инвертированный концевой повтор (L-ITR)	cctgcaggcagctgcgcgctcgtcgcctcactgaggccgcccgggctcggggcgaccttt 45 ggtcggccgctcagtgagcgagcgcgcgagaggggagtgccaactccatcac taggggttct (SEQ ID NO: 4)

Правый инвертированн ый концевой повтор (R-ITR)	aggaaccctagtgatggagttggccactccctctctgcgctcgctcgctcactgaggcc gggcgaccaaggtcgcccgacgcccgggctttgccggggcggcctcagtgagcgagcg agcgcgagctgcctgcagg (SEQ ID NO: 5)
--	---

Этап 3. 3' последовательность дисферлина была клонирована в вектор для сборки AAV (pAAV-Dysf3'-DV), при этом вектор несет следующие регуляторные последовательности, представлено в таблице 3.

Таблица 3

Наименование характеристики	Целевое значение
Левый инвертированн ый концевой повтор (L-ITR)	cctgcaggcagctgcgctcgctcgctcactgaggccgcccgggctcgggcgacct ttggtcgccggcctcagtgagcgagcgagcgcgagagaggagtgcccaactccat cactaggggttct (SEQ ID NO: 6)
Сигнал полиаденилирова ния SV40 (PolyA SV40)	taagatacattgatgagttggacaaccacaactagaatgcagtgaaaaaatgctctatt tgtgaaattgtgatgctattgtcctatttgtaaccattataagctgcaataaacaagtt (SEQ ID NO: 7)
Правый инвертированн ый концевой повтор (R-ITR)	aggaaccctagtgatggagttggccactccctctctgcgctcgctcgctcactgagg ccgggcgaccaaggtcgcccgacgcccgggctttgccggggcggcctcagtgagcg agcgagcgcgagctgcctgcagg (SEQ ID NO: 8)

Этап 4. Была проведена проверка последовательностей плазмид pAAV-Dysf5'-DV и pAAV-Dysf3'-DV секвенированием (только клонированные последовательности, не включая ITR).

Для сборки пробной партии вирусов были в препаративных количествах получены 4 плазмиды: AAV9-Dysf5'-DV, AAV9-Dysf3'-DV, pAAV-RC2/9 и pHelper.

Методом тройной транзientной трансфекции в клетках HEK293T были получены пробные партии вирусов AAV9-Dysf5'-DV и AAV9-Dysf3'-DV. Вирусные препараты были очищены по отработанной ранее в лаборатории методике от клеточного дебриса, примесных белков и пустых вирусных капсидов. Вирусный препарат стерилизовали через спин-колонки с размером пор 0,22 мкм и замораживали в буфере для хранения вирусных препаратов: 1x PBS, 350mM NaCl, 0,001% Pluronic F68 в пробирках типа эппендорф по 0,5 мл. Аликвоты вирусных препаратов отбирали перед замораживанием для контроля качества.

Качество полученных вирусов AAV9-Dysf5'-DV и AAV9-Dysf3'-DV определяли окрашиванием в полиакриламидном геле в денатурирующих условиях. Концентрацию вирусов определяли количественной ПНР в реальном времени с использованием зондов и праймеров к инвертированным повторам по отработанной ранее в лаборатории методике. Титр вирусных частиц в конечном препарате составляет 2,15E+13 гк/мл для AAV9-Dysf5'-DV и 2,06E+13 гк/мл для AAV9-Dysf3'-DV соответственно.

В ходе работ были получены 2 плазмидные конструкции, кодирующие кДНК дисферлина pAAV-Dysf5'-DV и pAAV-Dysf3'-DV. Последовательности полученных

плазмид были подтверждены секвенированием по Сэнгеру. Полученные плазмиды были трансформированы в штамм Top 10 E. coli для выделения.

ФАРМАКОЛОГИЧЕСКИЕ СВОЙСТВА ААВ9-ДИСФ-ДВ

Эксперименты проведены на 30 мышах-самцах B6.A/J-Dysf^{prmd}, Stock No: 012767, Jackson Laboratory, массы которых приведены в таблице 4. Каждая группа включала 10 крыс. Мыши были редеривированы в SPF зону экспериментально биологической клиники НИУ «БелГУ», рандомизированы в соответствии с массой и использованы для исследования специфической фармакологической активности препарата на основе аденоассоциированного вирусного вектора ААВ9-ДИСФ-ДВ.

Таблица 4

Популяция животных, подготовленная для исследования специфической фармакологической активности препарата ААВ9-ДИСФ-ДВ, г

№	ДТ	ДИСФ	ААВв/в
1	25,5	24,0	25,6
2	26,5	26,5	30,2
3	23,5	21,1	21,9
4	21,2	20,6	23,5
5	20,6	22,5	24,5
6	23,4	22,1	24,1
7	24,1	24,8	23,6
8	25,8	21,2	20,7
9	23,9	20,0	20,1
10	22,0	25,1	22,9

Первая группа - положительный контроль - мыши дикого типа (шифр ДТ); вторая группа - отрицательный контроль - дисферлин-дефицитные мыши (шифр ДИСФ) с генотипом B6.A/J-Dysf^{prmd}; третья группа - дисферлин-дефицитные мыши, получающие препарат ААВ9-ДИСФ-ДВ внутривенно, в хвостовую вену, в объеме 100 мкл (шифр ААВв/в). Титр вирусных частиц составляет 2,15E+13 гк/мл для ААВ9-Dysf5'-DV и 2,06E+13 гк/мл для ААВ9-Dysf3'-DV.

О выраженности эффекта судили по мышечной функции через 30 дней после однократной инъекции препарата. Для этого проводили тест «Сила хватки».

Тест «Сила хватки». Установка представляет собой сетку из нержавеющей стали подключенной к датчику для измерения силы хватки (в граммах) передних конечностей мыши. Животному давали ухватиться за горизонтальную сетку передними лапами, а затем мышь оттягивали назад за хвост, пока ее хватка не ослабевала, при этом задние лапы мыши не должны касаться сетки. Датчик измерения силы сохраняет пиковое значение силы тяги. Тест используется для изучения функции нейромышечной системы. Для анализа использовались среднее значения из 5 успешных измерений силы передних конечностей [Nagaraju K., Raben N., Loeffler L., Parker T., Rochon P.J., Lee E., Danning C., Wada R., Thompson C., Bahtiyar G., Craft J., Hooft Van Huijsduijnen, R., Plotz P. Conditional up-regulation of MHC class I in skeletal muscle leads to self-sustaining autoimmune myositis and myositis-specific autoantibodies. Proceedings of the National Academy of Sciences of the United

States of America. - 2000. №97. - P. 9209-9214; **García-Campos P., Báez-Matus X., Jara-Gutiérrez C., Paz-Araos M., Astorga C, Cea L.A., Rodríguez V., Bevilacqua J.A., Caviedes P., Cárdenas A.M.** N-Acetylcysteine Reduces Skeletal Muscles Oxidative Stress and Improves Grip Strength in Dysferlin-Deficient B1a/J Mice. International journal of molecular sciences. - 2020. №16; P. 4293].

Статистическую обработку проводили с использованием программной среды вычислений R. Характер распределения признаков в статистической выборке определяли с помощью критерия Шапиро-Уилка и критерия Шпигельхальтера (библиотека normtest), оценку равенства дисперсий - с помощью критерия Левене (библиотека lawstat). В зависимости от типа распределения признаков и равенства дисперсий значимость полученных результатов оценивали с применением параметрического (ANOVA) или непараметрического (критерий Краскела-Уоллиса) однофакторного дисперсионного анализа, а в качестве post-hoc анализа для выявления различий при межгрупповых сравнениях использовали непарный t-критерий Стьюдента или критерий Манна-Уитни, соответственно, с поправкой Бенджамини-Хохберга на множественную проверку гипотез. Результаты считали достоверными при $p \leq 0,05$.

ПРИМЕР КОНКРЕТНОГО ВЫПОЛНЕНИЯ

Сила передних конечностей в тесте «Сила хватки» была значительно снижена у мышей с диферлинопатией по сравнению с мышами дикого типа, на 23,4% ($p < 0,05$), что свидетельствует о снижении выносливости у мышей с генотипом B6.A/J-Dysf^{prmd} при развивающейся миодистрофии. Выраженная эффективность при коррекции миодистрофии установлена в группе животных, получавших препарат ААВ9-ДИСФ-ДВ внутривенно, на 27,3% ($p < 0,05$) превышая показатель в группе ДИСФ, при этом достигая целевых значений (таблица 5).

Таблица 5

Результаты исследования фармакологической активности ААВ9-ДИСФ-ДВ в тесте «Сила хватки» ($M \pm m$), г

№ п/п	Экспериментальные группы	Сила хватки
1	ДТ (n=10)	58,50±4,48
2	ДИСФ (n=10)	44,83±3,28*
3	ААВВ/В, 100 мкл (n=10)	58,17±3,51**

Примечания: * – $p < 0,05$ в сравнении с группой ДТ; ** – $p < 0,05$ в сравнении с группой ДИСФ.

Таким образом, в предлагаемом способе однократное внутривенное введение препарата на основе аденоассоциированного вирусного вектора ААВ9-ДИСФ-ДВ в объеме 100 мкл приводит к выраженной коррекции миодистрофии у дисферлин-дефицитных мышей B6.A/J-Dysf^{prmd}, что подтверждается результатами теста «Сила хватки» через 30 дней после инъекции ААВ9-ДИСФ-ДВ.

<?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>

<!DOCTYPE ST26SequenceListing PUBLIC "-//WIPO//DTD Sequence Listing 1.3//EN" "ST26SequenceListing_v1_3.dtd">

<ST26SequenceListing originalFreeTextLanguageCode="ru"

dtdVersion="v1_3" fileName="Способ коррекции миодистрофии с использованием аденоассоциированного вирусного вектора в

```

эксперименте.xml" softwareName="WIPO Sequence"
softwareVersion="2.3.0" productionDate="2023-08-21">
  <ApplicationIdentification>
    <IPOfficeCode>RU</IPOfficeCode>
5    <ApplicationNumberText>2022133746</ApplicationNumberText>
    <FilingDate>2022-12-22</FilingDate>
  </ApplicationIdentification>
  <ApplicantFileReference>969</ApplicantFileReference>
  <ApplicantName languageCode="ru">федеральное государственное
10 автономное образовательное учреждение высшего образования
  &quot;Белгородский государственный национальный исследовательский
  университет&quot;; (НИУ &quot;БелГУ&quot;)</ApplicantName>
  <ApplicantNameLatin>federal&apos;noe gosudarstvennoe avtonomnoe
  obrazovatel&apos;noe uchrezhdenie vysshego obrazovaniya
15 &quot;Belgorodskij gosudarstvennyj nacional&apos;nyj
  issledovatel&apos;skij universitet&quot;; (NIU
  &quot;BelGU&quot;)</ApplicantNameLatin>
  <InventionTitle languageCode="ru">Способ коррекции миодистрофии с
  использованием аденоассоциированного вирусного вектора в
20 эксперименте</InventionTitle>
  <SequenceTotalQuantity>8</SequenceTotalQuantity>
  <SequenceData sequenceIDNumber="1">
    <INSDSeq>
      <INSDSeq_length>133</INSDSeq_length>
25 <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>
        <INSDFeature>
          <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
30 <INSDFeature_location>1..133</INSDFeature_location>
          <INSDFeature_qual>
            <INSDQualifier>
              <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
35 </INSDQualifier>
            <INSDQualifier id="q2">
              <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
              <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
            </INSDQualifier>
          </INSDFeature_qual>
40 </INSDFeature>
        </INSDSeq_feature-table>
        <INSDSeq_sequence>gtaagtatcaaggttacaagacaggtttaaggagaccaatagaaactgg
gcttgtcgcagacagagaagactcttgcgtttctgataggcacctattggtcttactgacatccactttgc
45 ctttctctccacag</INSDSeq_sequence>
      </INSDSeq>
    </SequenceData>
    <SequenceData sequenceIDNumber="2">

```

```

<INSDSeq>
  <INSDSeq_length>775</INSDSeq_length>
  <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
  <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
5  <INSDSeq_feature-table>
    <INSDFeature>
      <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
      <INSDFeature_location>1..775</INSDFeature_location>
      <INSDFeature_qual>
10  <INSDQualifier>
      <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
      </INSDQualifier>
      <INSDQualifier id="q21">
15  <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>Homo sapiens</INSDQualifier_value>
      </INSDQualifier>
      </INSDFeature_qual>
    </INSDFeature>
20  </INSDSeq_feature-table>
    <INSDSeq_sequence>ctagaagctgcatgtctaaagctagacccttcagattaaaaataactgag
gtaagggcctgggtaggggaggtggtgtgagacgctcctgtctctcctctatctgccatcgccctttg
gggaggaggaatgtgcccaaggactaaaaaaagccatggagccagaggggaggggcaacagaccttc
atgggcaaaccttggggccctgctgtctagcatgcccactacgggtctaggctgccatgtaaggaggc
25  aaggcctggggacacccgagatgctgtttataattaaccagacatgtggctgcccccccccccccaac
acctgctgcctctaaaaataaccctgtccctggtggatcccctgcatgcgaagatcttcgaacaaggctg
tgggggactgagggcaggctgtaacaggcttggggccagggttatacgtgcctgggactcccaaagta
ttactgttccatgttcccggcgaaggccagctgtccccgccagctagactcagcacttagtttaggaa
ccagtgagcaagtgcaccccttggggcagccatacaaggccatggggctgggcaagctgcacgcctgggt
30  ccggggtgggcacggtgcccgggcaacgagctgaaagctcatctgctctcaggggccccctccctggggac
agcccctcctggctagtcacaccctgtaggctcctctatataaccaggggacaggggctgcctcatt
ctaccaccacctccacagcagcagct</INSDSeq_sequence>
  </INSDSeq>
</SequenceData>
35  <SequenceData sequenceIDNumber="3">
  <INSDSeq>
    <INSDSeq_length>133</INSDSeq_length>
    <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
    <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
40  <INSDSeq_feature-table>
    <INSDFeature>
      <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
      <INSDFeature_location>1..133</INSDFeature_location>
      <INSDFeature_qual>
45  <INSDQualifier>
      <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
      </INSDQualifier>

```

```

    <INSDQualifier id="q6">
      <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
5    </INSDFeature_qual>
    </INSDFeature>
  </INSDSeq_feature-table>
  <INSDSeq_sequence>gtaagtatcaaggttacaagacaggtttaaggagaccaatagaaactgg
gcttgctcgagacagagaagactcttgcggttctgataggcacctattggtcttactgacatccactttgc
10 ctttctctccacag</INSDSeq_sequence>
  </INSDSeq>
</SequenceData>
<SequenceData sequenceIDNumber="4">
  <INSDSeq>
15  <INSDSeq_length>130</INSDSeq_length>
  <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
  <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
  <INSDSeq_feature-table>
    <INSDFeature>
20  <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
    <INSDFeature_location>1..130</INSDFeature_location>
    <INSDFeature_qual>
      <INSDQualifier>
        <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
25  <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
      </INSDQualifier>
      <INSDQualifier id="q8">
        <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
        <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
30  </INSDQualifier>
      </INSDFeature_qual>
    </INSDFeature>
  </INSDSeq_feature-table>
  <INSDSeq_sequence>cctgcaggcagctgcgcgctcgctcgctcactgaggccgcccgggctc
35 gggcgacctttggtcgccccggcctcagtgagcgagcgagcgcgagagaggagtggccaactccatcac
taggggttcct</INSDSeq_sequence>
  </INSDSeq>
</SequenceData>
<SequenceData sequenceIDNumber="5">
40  <INSDSeq>
  <INSDSeq_length>141</INSDSeq_length>
  <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
  <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
  <INSDSeq_feature-table>
45  <INSDFeature>
    <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
    <INSDFeature_location>1..141</INSDFeature_location>
    <INSDFeature_qual>

```

```

    <INSDQualifier>
      <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
5    <INSDQualifier id="q10">
      <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
    </INSDFeature_qual>
10   </INSDFeature>
    </INSDSeq_feature-table>
    <INSDSeq_sequence>aggaaccctagtgatggagttggccactccctctctgcgcgctcgctc
gctcactgaggccggcgaccaaaggtcgcccgacgcccgggctttgccggggcgctcagtgagcgag
cgagcgcgagctgcctgcagg</INSDSeq_sequence>
15   </INSDSeq>
</SequenceData>
<SequenceData sequenceIDNumber="6">
  <INSDSeq>
    <INSDSeq_length>130</INSDSeq_length>
20   <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
    <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
    <INSDSeq_feature-table>
      <INSDFeature>
        <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
25   <INSDFeature_location>1..130</INSDFeature_location>
        <INSDFeature_qual>
          <INSDQualifier>
            <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
            <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
30   </INSDQualifier>
          <INSDQualifier id="q12">
            <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
            <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
          </INSDQualifier>
35   </INSDFeature_qual>
        </INSDFeature>
      </INSDSeq_feature-table>
      <INSDSeq_sequence>cctgcaggcagctgcgcgctcgctcgctcactgaggccgcccgggctc
gggcgacctttggtcgcccggcctcagtgagcgagcgagcgcgagaggggagtgggccaactccatcac
40   taggggttcct</INSDSeq_sequence>
    </INSDSeq>
  </SequenceData>
  <SequenceData sequenceIDNumber="7">
    <INSDSeq>
45   <INSDSeq_length>122</INSDSeq_length>
      <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
      <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
      <INSDSeq_feature-table>

```

```

<INSDFeature>
  <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
  <INSDFeature_location>1..122</INSDFeature_location>
  <INSDFeature_qual>
5    <INSDQualifier>
      <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
      <INSDQualifier id="q22">
10    <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
  </INSDFeature_qual>
</INSDFeature>
15 </INSDSeq_feature-table>
  <INSDSeq_sequence>taagatacattgatgagtttgacaaaccacaactagaatgcagtgaaa
aaaatgctctattttgtgaaattttgtgatgctattgtcctatttgtaaccattataagctgcaataaaca
ggt</INSDSeq_sequence>
  </INSDSeq>
20 </SequenceData>
  <SequenceData sequenceIDNumber="8">
  <INSDSeq>
  <INSDSeq_length>141</INSDSeq_length>
  <INSDSeq_moltype>DNA</INSDSeq_moltype>
25 <INSDSeq_division>PAT</INSDSeq_division>
  <INSDSeq_feature-table>
  <INSDFeature>
  <INSDFeature_key>source</INSDFeature_key>
  <INSDFeature_location>1..141</INSDFeature_location>
30 <INSDFeature_qual>
  <INSDQualifier>
      <INSDQualifier_name>mol_type</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>other DNA</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
35 <INSDQualifier id="q18">
      <INSDQualifier_name>organism</INSDQualifier_name>
      <INSDQualifier_value>synthetic construct</INSDQualifier_value>
    </INSDQualifier>
  </INSDFeature_qual>
40 </INSDFeature>
  </INSDSeq_feature-table>
  <INSDSeq_sequence>aggaaccctagtgatggagttggccactccctctctgcgcgctcgctc
gctcactgaggccggcgaccaaaggtcgcccgcgcccgggctttgcccgggcccctcagtgagcgag
cgagcgcgagctgcctgcagg</INSDSeq_sequence>
45 </INSDSeq>
  </SequenceData>
</ST26SequenceListing>

```

(57) Формула изобретения

Способ коррекции миодистрофии с использованием аденоассоциированного вирусного вектора в эксперименте, включающий использование самцов дисферлин-
5 дефицитных мышей B6.A/J-Dysf^{prmd} и однократное введение двувекторного препарата на основе аденоассоциированного вируса в хвостовую вену с оценкой мышечной функции через 30 дней после инъекции препарата, отличающийся тем, что коррекцию миодистрофии проводят препаратом на основе аденоассоциированного вируса 9 серотипа, несущего кодон-оптимизированную кДНК гена дисферлина под управлением
10 мышцеспецифичного промотора в комбинации с химерным интроном для усиления экспрессии дисферлина в объеме 100 мкл, подтверждаемый результатами теста «Сила хватки».

15

20

25

30

35

40

45